

# การศึกษาจุลินทรีย์บนผิวหนัง ( SKIN MICROBIOTA ) บริเวณมือของนักเรียน TRACK แพทยศาสตร์ และ กลุ่มวิทยาศาสตร์สุขภาพ โรงเรียนศรีสุวิฯ จังหวัดชลบุรี



นางสาวศิริพันธ์ วิบูลย์จันทร์<sup>1</sup>, นางสาวเกวณีน หาญฟ้าเลื่อน<sup>1</sup>, นายณัฐกักร อัครปิยะนิธิ<sup>1</sup>, นายศรารณารักษ์ โนนกลาง<sup>1</sup>, นายจุนอัยยอก ลี,<sup>1</sup> พศ.ดร.กนกพร ศรีสุจริตพานิช <sup>2</sup>  
<sup>1</sup>นักเรียนใน TRACK แพทยศาสตร์และกลุ่มวิทยาศาสตร์สุขภาพ โรงเรียนศรีสุวิฯ  
<sup>2</sup>คณะสหเวชศาสตร์ สาขาเทคนิคการแพทย์ มหาวิทยาลัยบูรพา

## บทคัดย่อ

ผิวหนังเป็นอวัยวะที่มีพื้นที่ใหญ่ที่สุดของร่างกาย มีหน้าที่ปกป้องอวัยวะภายในจากสภาวะแวดล้อม เปรียบเสมือนเครื่องกีดขวางทางกายภาพที่ป้องกันการรุกรานจากเชื้อก่อโรคที่จะเข้าสู่ร่างกาย ในขณะที่ผิวหนังก็เป็นที่อยู่อาศัยแก่เชื้อจุลินทรีย์ประจำถิ่น (Normal flora) ผิวหนังของมนุษย์เป็นแหล่งรวมของแบคทีเรีย เชื้อรา และไวรัสที่ประกอบเป็นไมโครไบโอมของผิวหนัง คล้ายกับในลำไส้ของคน เมื่อผิวหนังถูกรบกวนจะทำให้เสียสมดุลของเชื้อจุลินทรีย์ การตรวจสอบไมโครไบโอมของผิวหนัง นักวิจัยด้านจุลชีววิทยาเริ่มใช้เทคนิคสมัยใหม่ เช่น การทดสอบหาลำดับลำดับนิวคลีโอไทด์ของยีน 16S rRNA ของแบคทีเรียเพื่อระบุและกำหนดชนิดของจุลินทรีย์ต่างๆ ที่มีอยู่บนผิวหนัง เพื่อประเมินความหลากหลายของแบคทีเรีย และเพื่อทำความเข้าใจว่าความหลากหลายของจุลินทรีย์อาจส่งผลต่อสุขภาพผิวหนังและภาวะผิวหนังได้อย่างไร งานวิจัยนี้มีจุดมุ่งหมายเพื่อให้ภาพรวมความรู้เกี่ยวกับไมโครไบโอมของผิวหนัง โดยเริ่มจากการเก็บตัวอย่างผิวหนังด้วยไม้พันสำลีชนิดพิเศษ ทำการสกัดดีเอ็นเอจากตัวอย่างอาสาสมัครสุขภาพดีในเขตจังหวัดชลบุรี ตรวจสอบคุณภาพของดีเอ็นเอ ด้วยการวัดความเข้มข้นที่ OD260 nm ตรวจสอบความบริสุทธิ์ดู ratio OD260/280 จากนั้นทำเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอของยีน 16S rRNA ด้วยเทคนิคพีซีอาร์เพื่อตรวจสอบเบื้องต้น ก่อนส่งหาลำดับนิวคลีโอไทด์ด้วย Next-generation sequencing ต่อไป

## วัตถุประสงค์ของงานวิจัย

- เพื่อศึกษาชนิดของเชื้อจุลินทรีย์ประจำถิ่นบนผิวหนังบริเวณฝ่ามือของประชากรจังหวัดชลบุรี

## วิธีการดำเนินงานวิจัย

### CLINICAL STUDY



อายุ 15 - 20 ปี

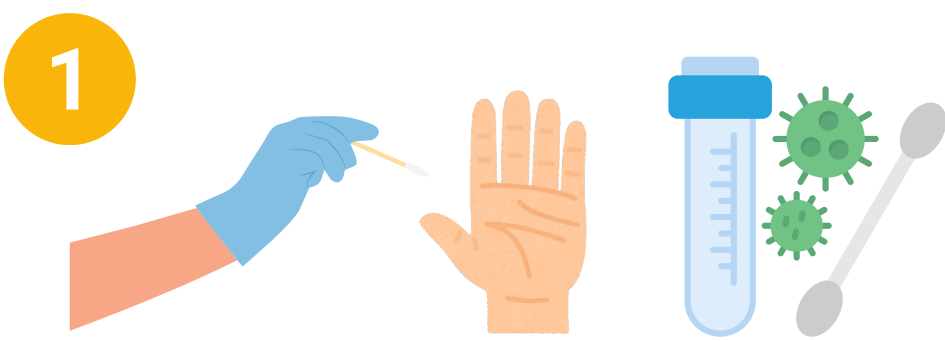


สุขภาพแข็งแรง



ผิวสุขภาพดี (ไม่เป็นโรคผิวหนัง)

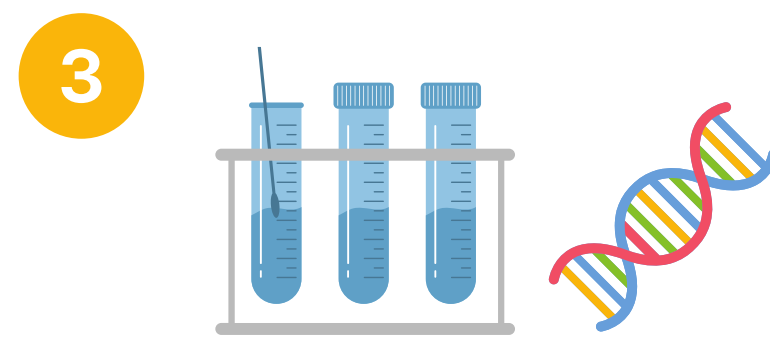
### MICROBIOME CHARACTERIZATION



1 HAND SWAB NSS AND COLLECTED SAMPLE IN NAP BUFFER



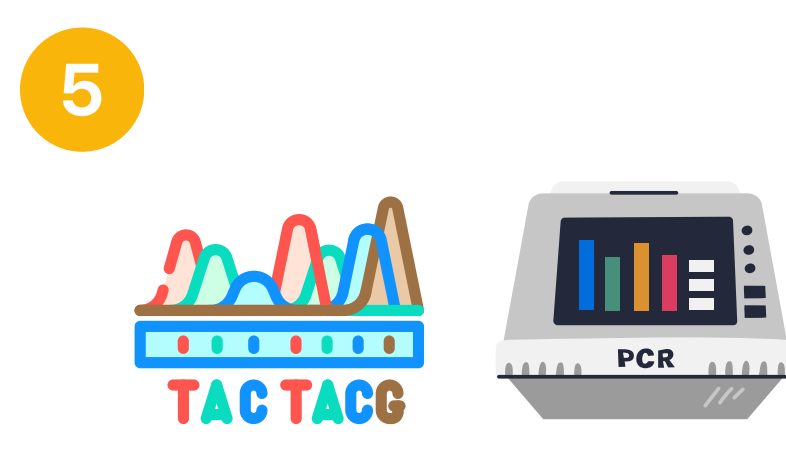
2 EXTRACTED DNA USING THE ZYMOBIOMICS DNA MINIPREP KIT



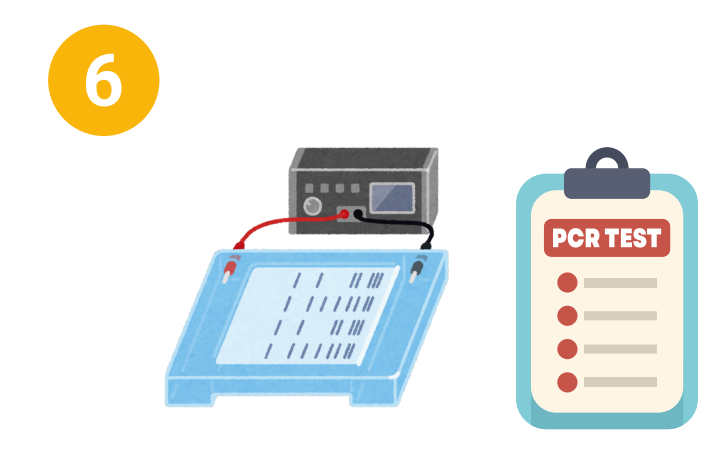
3 DNA EXTRACTION



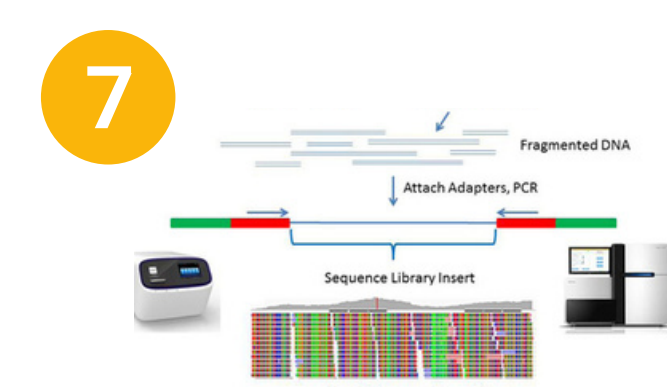
4 QUALITY CHECK



5 AMPLIFICATION BY PCR 16S rRNA



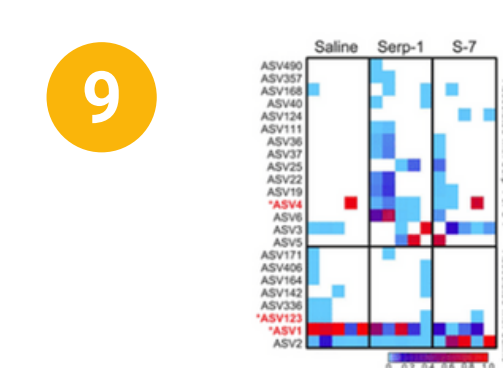
6 EXAMINE THE QUALITY OF PCR PRODUCT



7 LIBRARY CONSTRUCTION



8 DNA SEQUENCING



9 BIOINFORMATICS TAXONOMY ABUNDANCE, ALPHA DIVERSITY, BETA DIVERSITY

## ผลการดำเนินงานวิจัย

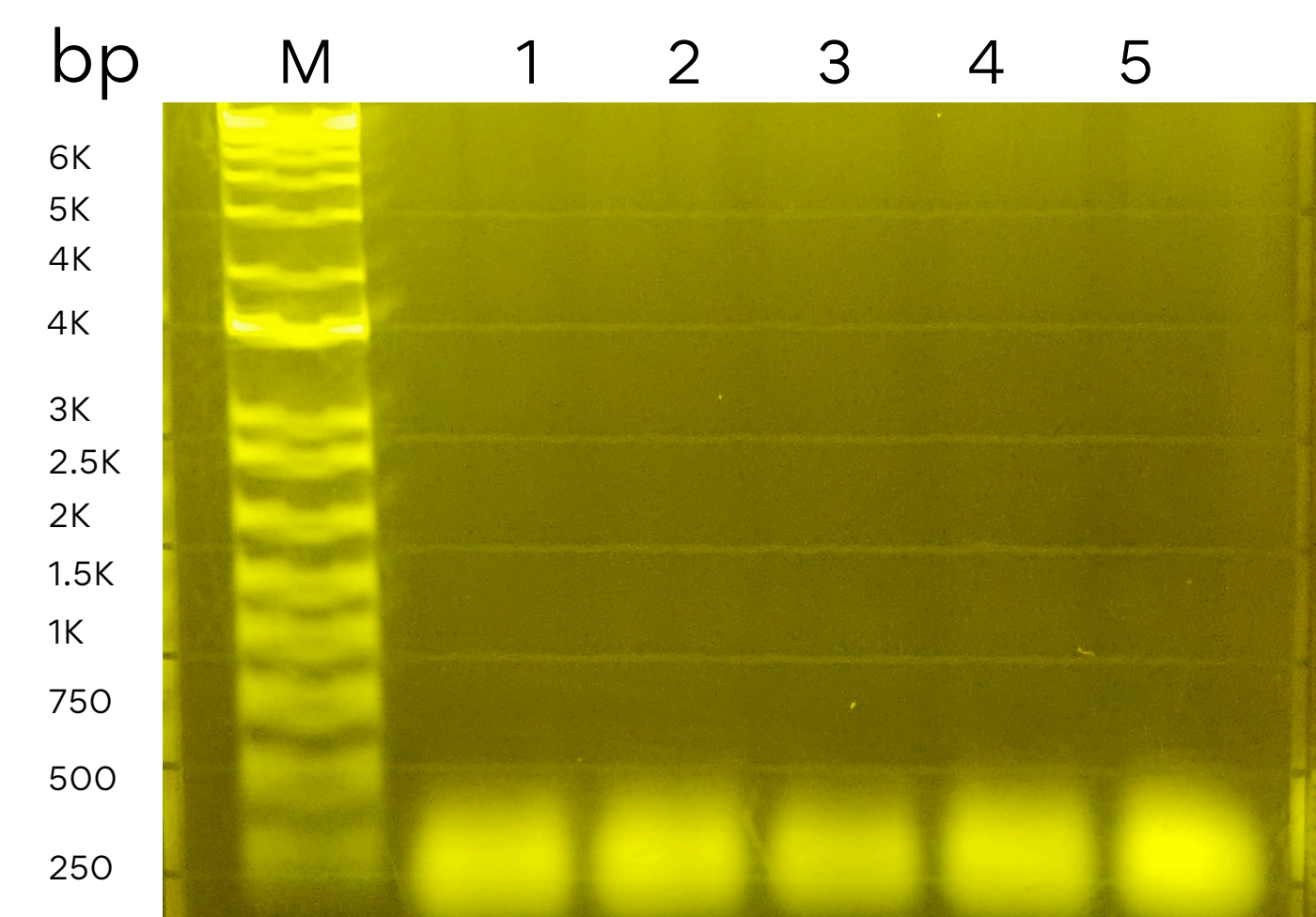
### ผลการสกัดดีเอ็นเอจากตัวอย่างผิวหนังของอาสาสมัคร

ตารางแสดงความเข้มข้นของดีเอ็นเอที่สกัดได้จากตัวอย่างและความบริสุทธิ์ของดีเอ็นเอ

Sample	Conc. ng/ $\mu$ L	OD 260/280
01	16	0.71
02	15	0.64
03	15	0.65
04	12	0.63
05	17	0.89

A limitation of NGS is the requirement for DNA with a concentration of more than 15 ng/ $\mu$ L and high purity (OD260/280  $\geq$ 1.8)

### ผลการเพิ่มจำนวนดีเอ็นเอของยีน 16S rRNA ด้วยเทคนิคพีซีอาร์



Gel Electrophoresis จากเชื้อจุลินทรีย์บนผิวหนังบริเวณมือของนักเรียนใน Track แพทยศาสตร์และกลุ่มวิทยาศาสตร์สุขภาพ

## ข้อเสนอแนะการวิจัย

ขั้นตอนการเก็บตัวอย่างเชื้อจุลินทรีย์บนผิวหนังซึ่งมีปริมาณน้อย ทำให้สกัดดีเอ็นเอได้น้อย ดังนั้นควรเพิ่มบริเวณที่ทำการเก็บและปรับขั้นตอนการสกัดดีเอ็นเอเพื่อให้ได้ปริมาณดีเอ็นเอที่มากพอในการไปทำการทดลองขั้นต่อไป ข้อมูลชนิดและปริมาณของเชื้อจุลินทรีย์บนผิวหนัง (บริเวณมือ) จะเป็นข้อมูลพื้นฐานในการประเมินความเสี่ยงต่อโรคผิวหนัง พัฒนาเวชสำอาง ที่ช่วยรักษาสมดุลของจุลินทรีย์ เช่น การพัฒนาโปรไบโอติกสำหรับผิวที่ส่งเสริมแบคทีเรียที่มีประโยชน์ และยับยั้งเชื้อก่อโรคที่อาจก่อให้เกิดการอักเสบหรือการติดเชื้อ แนวทางนี้จะช่วยลดปัญหาผิวอักเสบและส่งเสริมสุขภาพผิวอย่างยั่งยืน

## สรุปและอภิปรายผล

จากการศึกษาจุลินทรีย์บนผิวหนังบริเวณมือของนักเรียนTrackแพทยศาสตร์และกลุ่มวิทยาศาสตร์สุขภาพ พบว่าสามารถสกัด DNA ได้และเมื่อนำสารพันธุกรรมที่เตรียมไว้มาตรวจหาชนิด 16S rRNA ด้วยเทคนิคพีซีอาร์ และตรวจสอบด้วย Gel Electrophoresis เพื่อเทียบขนาดของชิ้นส่วนสารพันธุกรรมของเชื้อจุลินทรีย์บนผิวหนัง ซึ่งสามารถนำไปตรวจหาลำดับนิวคลีโอไทด์เมื่อตรวจหาชนิดของเชื้อจุลินทรีย์ต่อไปได้